



قطب علمی مخابرات و مخابرات
افزایش دهنده و زیر سیستم های الکترومغناطیسی
دانشگاه صنعتی خواجه نصیرالدین طوسی



قطب علمی کنترل صنعتی
دانشگاه خواجه نصیرالدین طوسی



دانشگاه صنعتی خواجه نصیرالدین طوسی
دانشگاه صنعتی تبریز

چهارشنبه ۲۰ اسفندماه ۱۳۹۹

ساعت ۱۶:۳۰ الی ۱۸



دکتر محمد تشنه لب
عضو هیات علمی گروه کنترل
دانشگاه صنعتی خواجه نصیرالدین طوسی

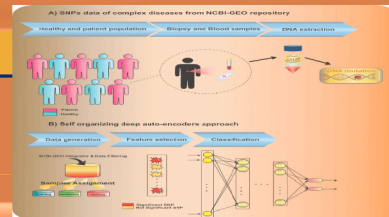
و
دکتر سعید پیرمرادی
مرکز تحقیقات راحت - دانشگاه علوم پزشکی تبریز

ارائه یک روش جدید بر پایه طراحی مدل های عمیق با ساختار بهینه به منظور شناسایی چند شکلی های تک نوکلئوتیدی موثر با هدف پیش بینی و پیشگیری سرطان

مجموعه وبینارهای مهندسی برق

چکیده:

اخیراً، بسیاری از الگوریتم های یادگیری ماشین برای شناسایی چند شکلی های تک نوکلئوتیدی (SNP) موثر در بیماری های مختلف انسانی، استفاده شده است. با این حال، برخی از موانع اصلی در زمینه شناسایی SNP ها و طبقه بندی گروه های بیمار و سالم بر اساس آن ها وجود دارد. در زمینه تشخیص SNP های موثر در بیماری، نفرین ابعاد یا به عبارت دیگر تعداد بالای SNP های گزارش شده برای هر نمونه چالش اصلی است. از طرف دیگر، تعداد نمونه ها قطعاً در مقایسه با تعداد SNP ها کمتر هستند. علاوه بر این، تعداد نمونه های سالم و بیمار می تواند در داده های جمع آوری شده نابرابر باشند. این چالش ها انتخاب و طبقه بندی ویژگی ها را بسیار دشوار می سازد. هدف اصلی مطالعه حاضر ارائه ترکیبی موفق از الگوریتم های مختلف برای یافتن موثرترین روش تجزیه و تحلیل داده های SNP است.



لینک شرکت در وبینار

<https://meetbk.kntu.ac.ir/b/zar-jrb-p50>

کد دسترسی: 918307



SCAN ME

